

ФИО:

ПОЛ:

ДАТА РОЖДЕНИЯ: 01.01.2020

ДАТА ВЗЯТИЯ БИОМАТЕРИАЛА: 01.01.2021

ИДЕНТИФИКАТОР КОНТЕЙНЕРА: v502

ВРАЧ:

СОСТОЯНИЕ МИКРОБИОТЫ КИШЕЧНИКА

Доля нормальной микробиоты в пределах нормы – **99.8%**.
Общее количество бифидобактерий в пределах нормы – **6.2** Lg (ГЭ/г)*. Таксономическое разнообразие нормальной микробиоты в пределах нормы – **13**. Метаболически активные "детские" виды бифидобактерий отсутствуют. Доля метаболически активных «детских» видов бифидобактерий снижена** – **0.0%**. Доля метаболически активных видов бифидобактерий в пределах нормы – **более 10%**. Представители *Lactobacillaceae* отсутствуют. Представители таксона *Bacteroidetes* присутствуют. Доля условно-патогенной микробиоты в пределах нормы – **0.2%**. Порядок *Enterobacteriales* представлен *E.coli*. Дрожжевые грибы не выявлены.

ВАЖНО: интерпретация результатов должна производиться строго лечащим врачом

ПОКАЗАТЕЛЬ	РЕЗУЛЬТАТ	РЕФЕРЕНТНЫЙ ИНТЕРВАЛ	ЕДИНИЦА ИЗМЕРЕНИЯ
Общее количество бактерий (ОБМ)	8.9*	> 6	Lg (ГЭ/г)
Нормальная микробиота			
доля	99.8	≥ 80	%
разнообразие, количество таксонов	13	≥ 6	шт
<i>Bifidobacterium spp.</i>			
общее количество	6.2*	> 6	Lg (ГЭ/г)
метаболически активные виды, доля	> 10	≥ 10	%
метаболически активные «детские» виды, доля**	0.0 ↓	> 10	%
метаболически активные «детские» виды, разнообразие	0 ↓	≥ 2	шт
<i>Lactobacillaceae</i>, количество	-	> 0.0	Lg (ГЭ/г)
<i>Bacteroidetes</i>, наличие	выявлено	выявлено	
<i>Firmicutes/Bacteroidetes</i>, соотношение	Не оценивается в данном возрасте		
Дрожжевые грибы, количество	0.0*	< 5.8	Lg (ГЭ/г)
Условно-патогенная микробиота (патобионты), доля	0.2	< 20	%
Маркеры патогенности и резистентности, наличие			
патогенные представители <i>Enterobacteriales</i>	не выявлено	не выявлено	
<i>Clostridioides difficile</i>	Не оценивается в данном возрасте		
<i>tcdA, tcdB</i>	Не оценивается в данном возрасте		
<i>Staphylococcus aureus</i>	не выявлено	не выявлено	
<i>mecA</i>	не выявлено	не выявлено	
<i>Streptococcus agalactiae c srr2</i>	Не оценивается в данном возрасте		
<i>Candida albicans</i>	не выявлено	не выявлено	

Дата выполнения исследования:

Исследование выполнил _____ (ФИО)

* приведены значения Lg X – означает 10^X

** указано значение доли от суммы метаболически активных бифидобактерий



ФИО:

ИДЕНТИФИКАТОР КОНТЕЙНЕРА:

ДАТА ВЗЯТИЯ БИОМАТЕРИАЛА:

v502

01.01.2021

ПОКАЗАТЕЛЬ	АБСОЛЮТНЫЙ, Lg (ГЭ/г кала)*		ОТНОСИТЕЛЬНЫЙ, %	
	Результат	Референтный интервал	Результат	Референтный интервал
Общее количество бактерий	8.9	> 6		
НОРМАЛЬНАЯ МИКРОБИОТА	8.6	7.5 - 10.2	99.8	80 - 100
Actinobacteria				
Bifidobacterium spp	6.2	6 - 9.9	0.4	10.0 - 80.0
Метаболически активные виды бифидобактерий, доля			> 10	≥ 10
Метаболически активные «детские» виды**	-	7.0 - 8.5	-	> 10
Bifidobacterium longum subsp. infantis	-		-	
Bifidobacterium longum subsp. longum	-		-	
Bifidobacterium bifidum	-		-	
Bifidobacterium breve	-		-	
Метаболически активные «взрослые» виды**	5.4	6.7 - 8.9	100.0	0.1 - 92
Bifidobacterium adolescentis	-		-	
Bifidobacterium catenulatum ssp	5.4		100.0	
Bifidobacterium animalis subsp. lactis	-		-	
Bifidobacterium dentium	-		-	
Coriobacteriia	6.2	4.6 - 8.8	0.4	0.0 - 15.0
Firmicutes				
Clostridium leptum gr	8.4	4.5 - 9.6	57.6	1.0 - 52.0
Dialister+Allisonella+Megasphaera+Veillonella	6.7	4.7 - 8.7	1.1	0.0 - 7.5
Faecalibacterium prausnitzii	6.9	0.0 - 8.8	1.8	0.0 - 15.0
Lachnospiraceae	7.9	6.7 - 10.0	18.2	7.6 - 75.6
Lactobacillaceae	-	0.0 - 8.8	-	0.0 - 5.0
Streptococcus spp	5.5	5.5 - 8.6	0.1	0.0 - 25.0
Lactococcus lactis	-	0.0 - 8.5	-	0.0 - 6.0
Bacteroidetes				
Alistipes spp	7.1	0.0 - 8.2	2.9	0.0 - 2.0
Bacteroides spp	7.8	0.0 - 9.3	14.5	0.0 - 33.1
Butyricimonas spp	5.8	0.0 - 7.0	0.1	0.0 - 1.0
Parabacteroides spp	7.0	0.0 - 8.3	2.3	0.0 - 3.1
Prevotella spp	6.3	0.0 - 9.0	0.5	0.0 - 10.0
Другие бактерии				
Akkermansia muciniphila	-	0.0 - 8.5	-	0.0 - 4.0
Desulfovibrio spp	4.1	0.0 - 7.0	< 0.1	0.0 - 1.0
Methanobrevibacter spp	-	0.0	-	0.0 - 1.0
Разнообразие, количество таксонов:	13	≥ 6		
Соотношение Firmicutes/Bacteroidetes:	-	≥ 1.5		
УСЛОВНО-ПАТОГЕННАЯ МИКРОБИОТА (ПАТОБИОНТЫ)	5.9	6.3 - 9	0.2	0 - 20
Clostridium difficile gr	4.9	4.7 - 8.3	< 0.1	0.0 - 5.0
Clostridium perfringens gr	4.1	5.4 - 7.7	< 0.1	0.0 - 2.0
Enterobacterales	5.6	6.7 - 9.2	0.1	0.0 - 20.0
E.coli	5.5	5.5 - 8.2	0.1	0.0 - 10.0
Enterococcus spp	4.5	5.8 - 8.0	< 0.1	0.0 - 2.6
Erysipelotrichaceae	5.3	5.7 - 8.5	< 0.1	0.0 - 6.0
Fusobacteriaceae	-	0.0 - 6.5	-	0.0 - 1.0
Peptoniphilaceae	4.8	0.0 - 6.7	< 0.1	0.0 - 1.0
Pseudomonas spp	-	0.0 - 5.5	-	0.0 - 0.1
Staphylococcus spp	-	0.0 - 5.5	-	0.0 - 0.1
МАРКЕРЫ ПАТОГЕННОСТИ И РЕЗИСТЕНТНОСТИ				
Clostridioides difficile	-	0.0 - 6.5	-	0.0 - 0.1
cdtA cdtB	-		-	
Staphylococcus aureus	-	0.0 - 4.5	-	0.0 - 0.1
mecA	-		-	
Streptococcus agalactiae	-	0.0 - 5.0	-	0.0 - 0.1
srr2	-		-	
ДРОЖЖЕВЫЕ ГРИБЫ				
Candida spp	-	0.0 - 5.8		
C.albicans	-	0.0		

* приведены значения Lg X – означает 10^X

** указано значение доли от суммы метаболически активных бифидобактерий